

應用 DNA 分子技術，為吳郭魚「驗明正身」

吳郭魚的種類多，而且彼此之間容易雜交，在選種、育種及保種的過程中，必須注意品種的正確性，以免親緣混淆，影響種原保存工作及試驗結果。為達到此目的，首要之途是能夠判別各個品種及其雜交種。

判別吳郭魚品種的基本方法是從魚體外觀做各種形質的分析與比較，必要時，可進一步地從染色體、蛋白質電泳甚至分子生物技術等層面做分析。本所淡水繁養殖研究中心的吳郭魚種原保存體系建立了數位影像、外部形質分析、染色體組成分析、同功酶蛋白質電泳分析及粒線體去氧核糖核酸之限制酶切割圖譜等相關資料。目前正應用 DNA 分子生物技術，進行不同品種及品系之鑑別，得到的遺傳標記可作為品種保存及雜交育種等工作之重要參考。

淡水繁養殖研究中心將尼羅吳郭魚、莫三比克吳郭魚、歐利亞吳郭魚、賀諾奴吳郭魚、斯皮路勒吳郭魚及紅色吳郭魚的一些 DNA 特定片段的資料，已通過美國著名的國立生物科技資訊中心 (NCBI) 網站的遺傳序列資料庫 (GenBank) 之審查並獲准登錄。這除了可以證明試驗所得資料的正確性以外，也可以與其它吳郭魚資料做比對，瞭解到彼此之間的親緣關係，並促進學術交流。(淡水繁養殖研究中心張格銓、劉富光)

NCBI Nucleotide

Search: CoreNucleotide for [] Go Clear

Display: GenBank Show 5 Send to Hide: ☐ sequence ☐ all but gene, CDS and mRNA features

Range: from begin to end ☐ Reverse complemented strand Features: + Refresh

1: EU430994. Reports Oreochromis aureu...[gi:167888973]

Features Sequence

LOCUS EU430994 906 bp DNA linear VRT 20-FEB-2008

DEFINITION Oreochromis aureus D-loop, partial sequence; mitochondrial.

ACCESSION EU430994

VERSION EU430994.1 GI:167888973

KEYWORDS .

SOURCE mitochondrion Oreochromis aureus

ORGANISM Oreochromis aureus
 Eukaryota; Metazoa; Chordata; Craniata; Vertebrata; Euteleostomi;
 Actinopterygii; Neopterygii; Teleostei; Euteleostei; Neoteleostei;
 Acanthomorpha; Acanthopterygii; Percomorpha; Perciformes;
 Labroidae; Cichlidae; African cichlids; Pseudocrenilabrinae;
 Tilapiaini; Oreochromis.

REFERENCE 1 (bases 1 to 906)

AUTHORS Chang, K.C., Chang, Y.C., Chen, R.H., Chang, S.J., Weng, C.C. and Liu, F.G.

TITLE Direct Submission

JOURNAL Submitted (28-JAN-2008) Freshwater Aquaculture Research Center, Fisheries Research Institute, 106 Hai-Pu, Lukang, Changhua 50562, Taiwan

歐利亞吳郭魚粒線體 DNA D-loop 片段序列註冊於 NCBI 資料庫